



กรมวิทยาศาสตร์การแพทย์  
Department of Medical Sciences

# ข้อมูลการจำแนกตามสายพันธุ์ที่เฝ้าระวัง และการกลายพันธุ์ของเชื้อ

โดย นายแพทย์ศุภกิจ ศิริลักษณ์  
อธิบดีกรมวิทยาศาสตร์การแพทย์

21 มกราคม 2565





กรมวิทยาศาสตร์การแพทย์  
Department of Medical Sciences

# การจำแนกสายพันธุ์ที่เฝ้าระวัง

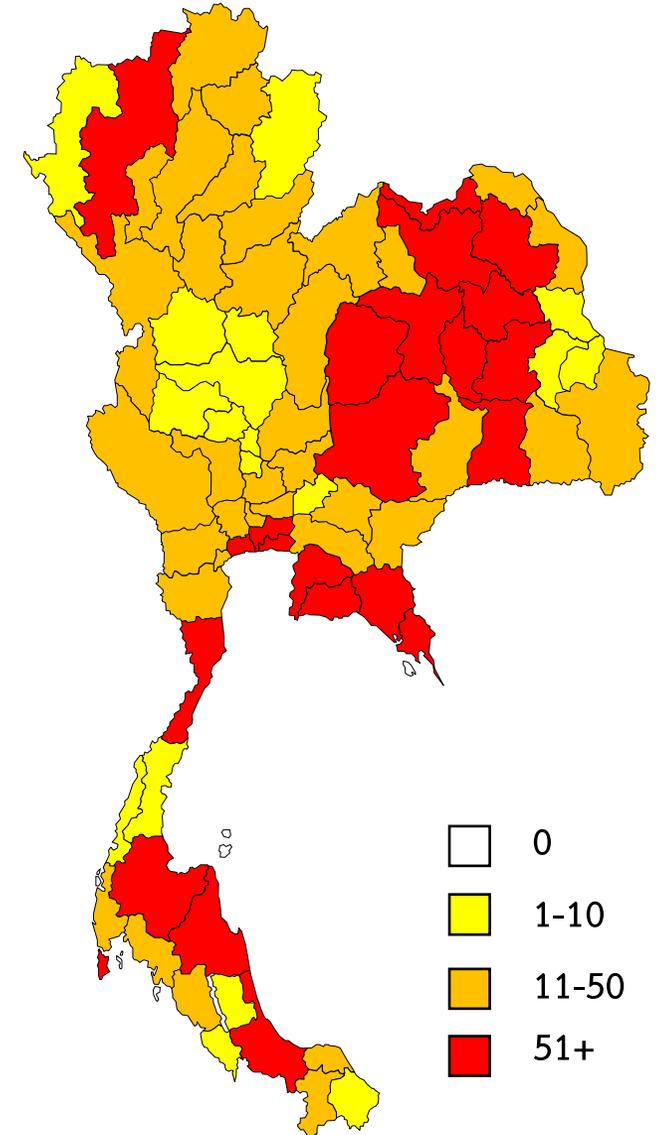
เขต สุขภาพ	จำนวนผู้ติดเชื้อที่พบจำแนกตามสายพันธุ์สำคัญ (ราย)											
	B.1.1.7 (Alpha)			B.1.617.2 (Delta)			B.1.351 (Beta)			B.1.1.529 (Omicron)		
	1 พ.ย. ถึง 19 ม.ค. 65	20 ม.ค. 65	รวม	1 พ.ย. ถึง 19 ม.ค. 65	20 ม.ค. 65	รวม	1 พ.ย. ถึง 19 ม.ค. 65	20 ม.ค. 65	รวม	1 พ.ย. ถึง 19 ม.ค. 65	20 ม.ค. 65	รวม
เขต 1	0		0	509		509	0		0	355	9	364
เขต 2	0		0	633		633	0		0	116		116
เขต 3	0		0	183		183	0		0	27		27
เขต 4	0		0	349		349	0		0	217	5	222
เขต 5	0		0	559	1	560	0		0	345	15	360
เขต 6	0		0	1,466	6	1,472	0		0	1,652	100	1,752
เขต 7	0		0	500	2	502	0		0	1,081	38	1,119
เขต 8	0		0	1,507		1,507	0		0	790		790
เขต 9	0		0	177		177	0		0	273	4	277
เขต 10	0		0	80		80	0		0	72		72
เขต 11	2		2	442	7	449	1		1	882	155	1,037
เขต 12	13		13	3,536		3,536	2		2	258		258
เขต 13	0		0	939	7	946	1		1	4,178	149	4,327
รวม	15	0	15	10,880	23	10,903	4	0	4	10,246	475	10,721
			0.07%			50.38%			0.02%			49.54%

หมายเหตุ : กรมวิทยาศาสตร์การแพทย์เฝ้าระวังตรวจจกลายพันธุ์หลังเปิดประเทศตั้งแต่วันที่ 1 พ.ย. 64 - 20 ม.ค. 2565

# จำนวนผู้ติดเชื้อ สายพันธุ์ B.1.1.529 ; Omicron รวมทุกกลุ่ม

จังหวัด	จำนวนทั้งหมด (กลุ่มในประเทศ) Potentially B.1.1.529 (Omicron)
กรุงเทพมหานคร	4178 (1176)
ชลบุรี	837 (451)
ภูเก็ต	434 (32)
ร้อยเอ็ด	355 (355)
สมุทรปราการ	329 (54)
สุราษฎร์ธานี	319 (33)
กาฬสินธุ์	301 (299)
อุดรธานี	217 (217)
เชียงใหม่	214 (118)
ขอนแก่น	214 (214)

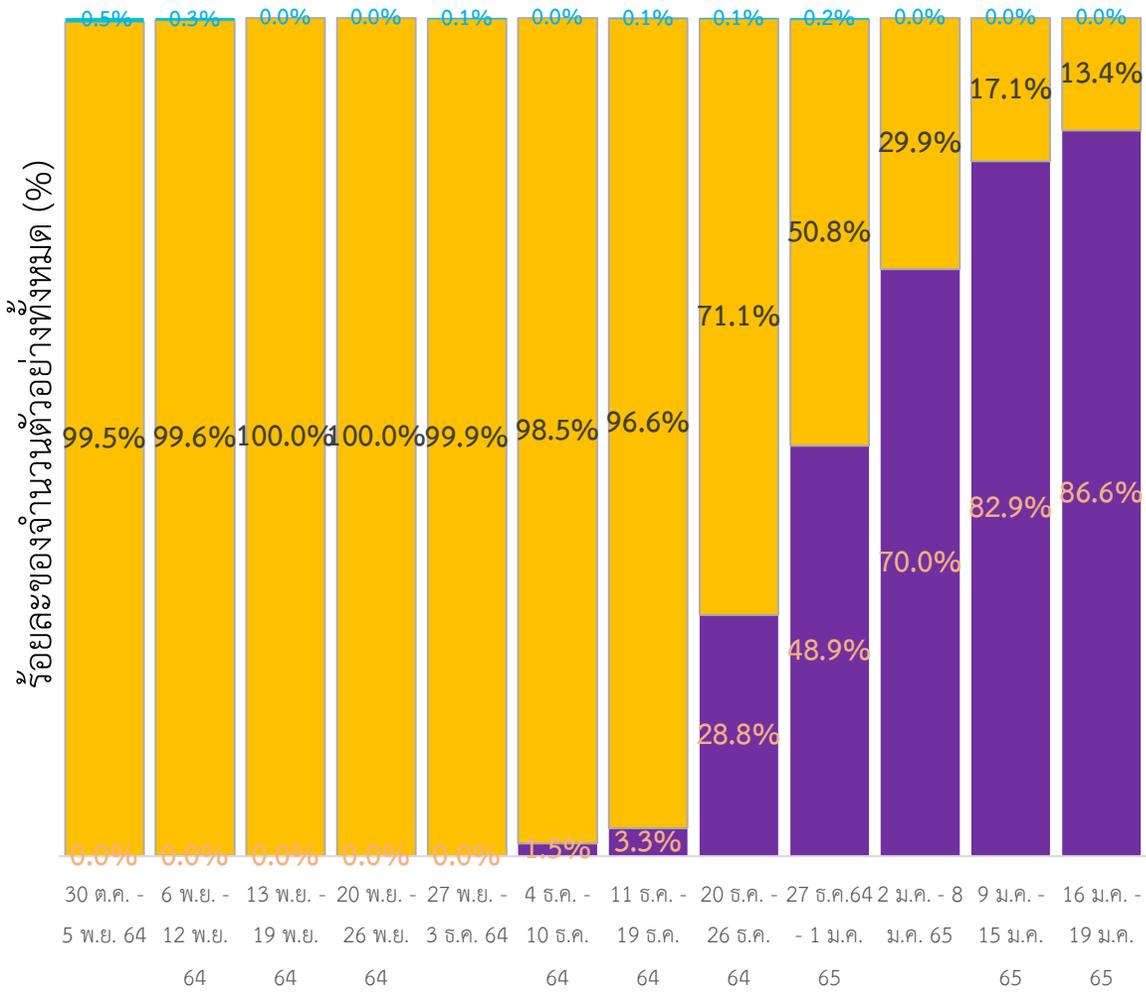
พบรายงานแล้ว ครบ 77 จังหวัด



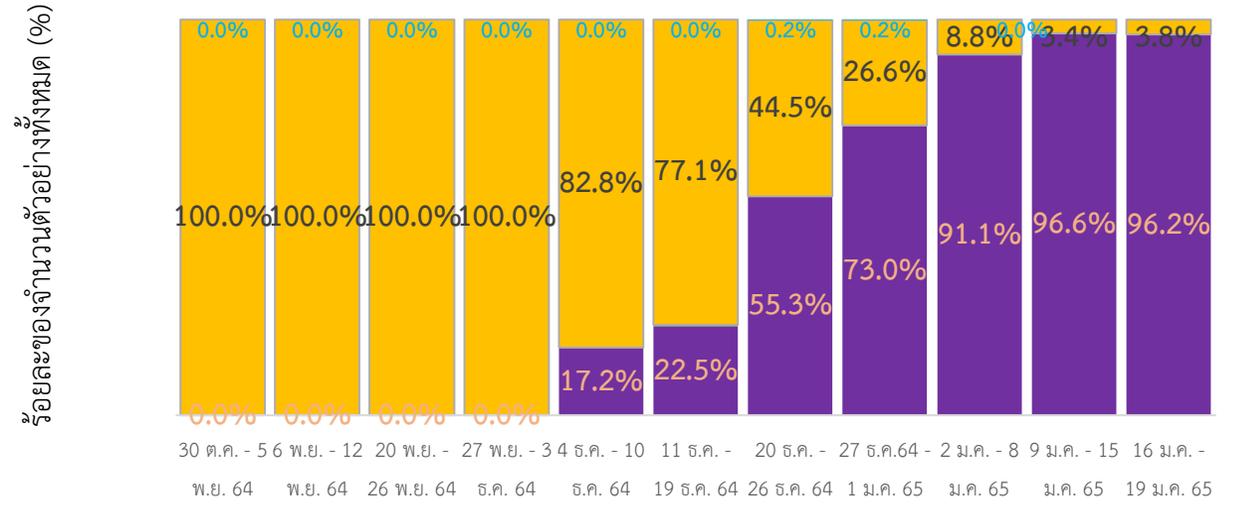


# สัดส่วนสายพันธุ์ที่เฝ้าระวังแบ่งตามกลุ่มตัวอย่าง : ตั้งแต่เปิดประเทศ (พฤศจิกายน 2564)

## รวมทุกกลุ่ม



## กลุ่มผู้เดินทางจากต่างประเทศ



## กลุ่มอื่นๆ ในประเทศ

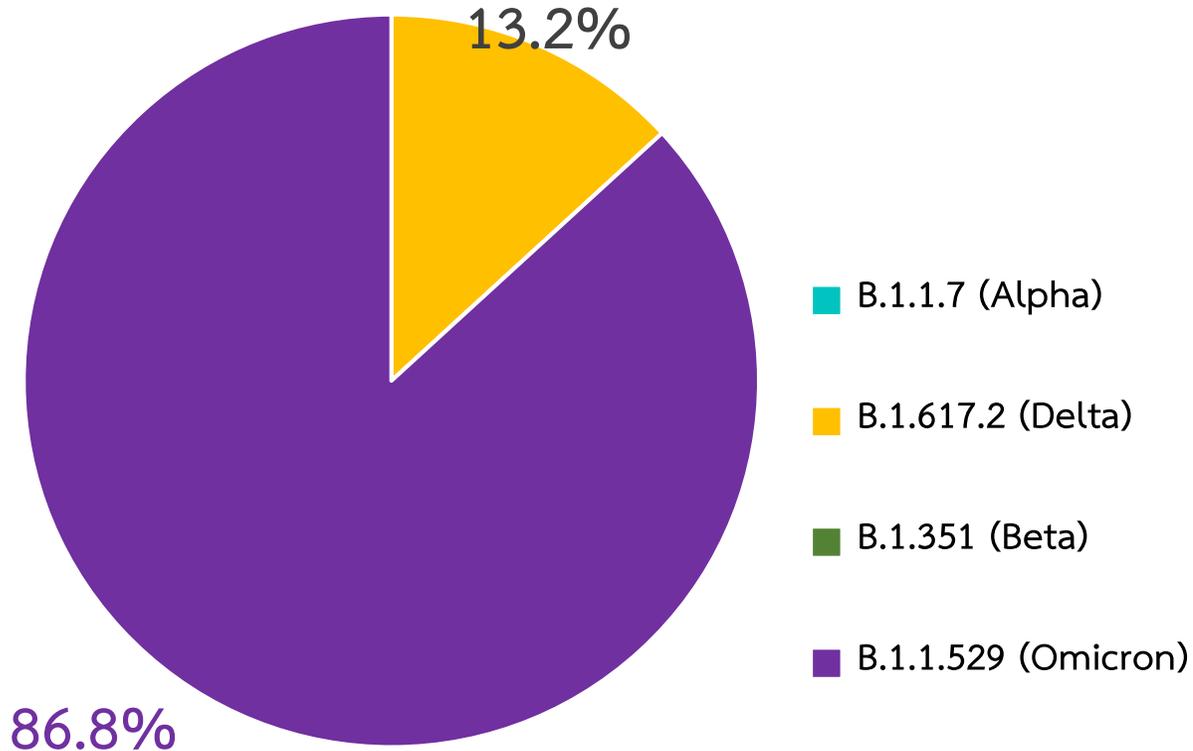


# การติดตามสัดส่วนการเปลี่ยนแปลงของสายพันธุ์ในระดับเขตสุขภาพ (ต่อ)

## การคัดเลือกตัวอย่าง (ต่อเขตสุขภาพ)

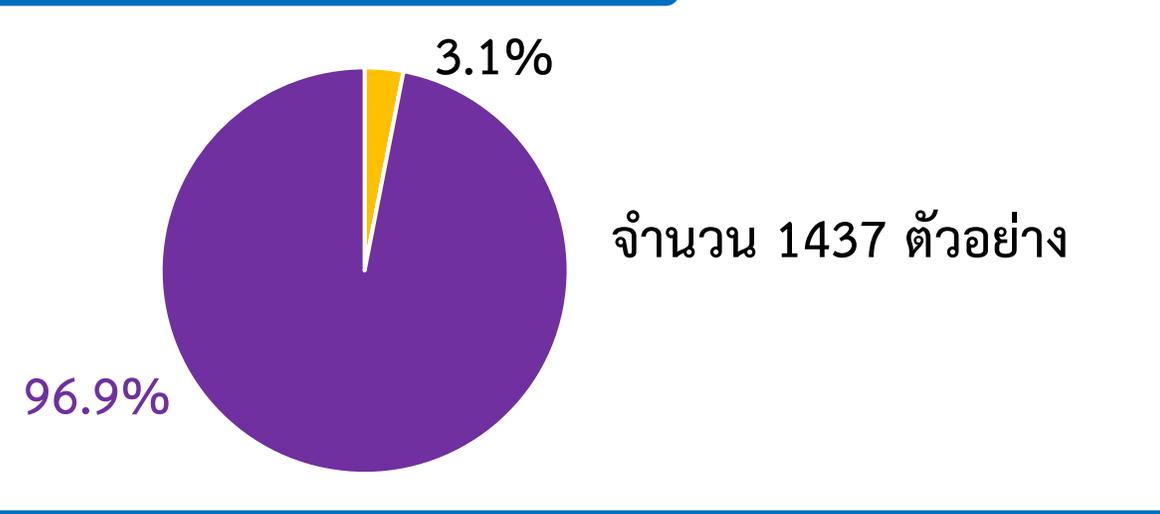
Criteria	Genotyping by real-time RT-PCR	Whole genome sequencing (WGS)
กลุ่มเดินทางมาจากต่างประเทศ (SQ, ASQ, LQ, Sandbox) รวมถึงต่างด้าวลักลอบเข้าเมือง	ทุกราย	ไม่เกิน 10 ราย
กลุ่มตัวอย่างเพื่อสะท้อนภาพรวมประเทศ (National prevalence)		ไม่เกิน 10 ราย
กลุ่มผู้ที่ได้รับวัคซีนครบตามเกณฑ์ (fully vaccinated)	สุ่มเลือกตัวอย่างผู้ติดเชื้อรายใหม่แบบ systematic	ไม่เกิน 10 ราย
กลุ่มที่อาการรุนแรง และ/หรือ เสียชีวิต ทุกราย	random sampling จากแต่ละจังหวัดที่อยู่ในพื้นที่	ไม่เกิน 5 ราย
กลุ่มที่มีภาวะภูมิคุ้มกันบกพร่อง		ไม่เกิน 5 ราย
กลุ่มบุคลากรทางการแพทย์	รับผิดชอบ <u>รวมทุกกลุ่มไม่</u>	ไม่เกิน 5 ราย
กลุ่มผู้ที่เคยติดเชื้อมาก่อน (ติดเชื้อซ้ำ)	<u>เกินจำนวน 140 ตัวอย่าง</u>	ไม่เกิน 10 ราย
คลัสเตอร์ใหม่ (คือมีจำนวนผู้ติดเชื้อมากกว่า 50 คนในคลัสเตอร์)	<u>ต่อสัปดาห์ ต่อเขตสุขภาพ</u>	ไม่เกิน 10 ราย
ลักษณะอื่นๆ ที่สงสัยไวรัสสายพันธุ์ใหม่ เช่น ค่า Ct ต่ำกว่าปกติ		ไม่เกิน 5 ราย
จำนวนตัวอย่าง/สัปดาห์/เขต	140	70

# สัดส่วนสายพันธุ์ที่เฝ้าระวังแบ่งตามกลุ่มตัวอย่าง : ระหว่างวันที่ 11-17 ม.ค. 65



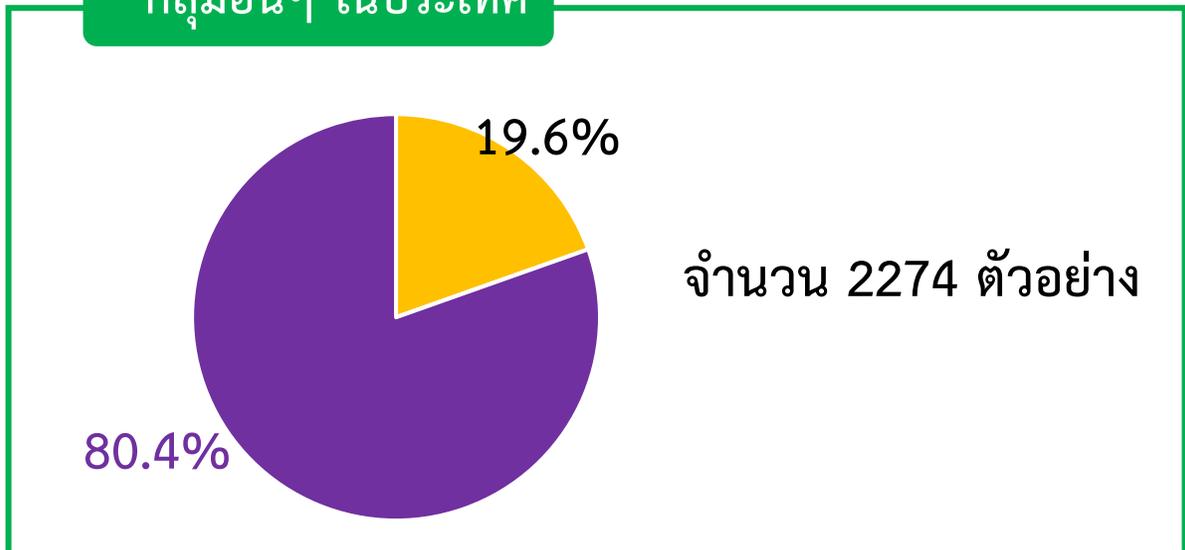
ภาพรวมทั้งประเทศ จำนวน 3711 ตัวอย่าง

## กลุ่มผู้เดินทางจากต่างประเทศ



จำนวน 1437 ตัวอย่าง

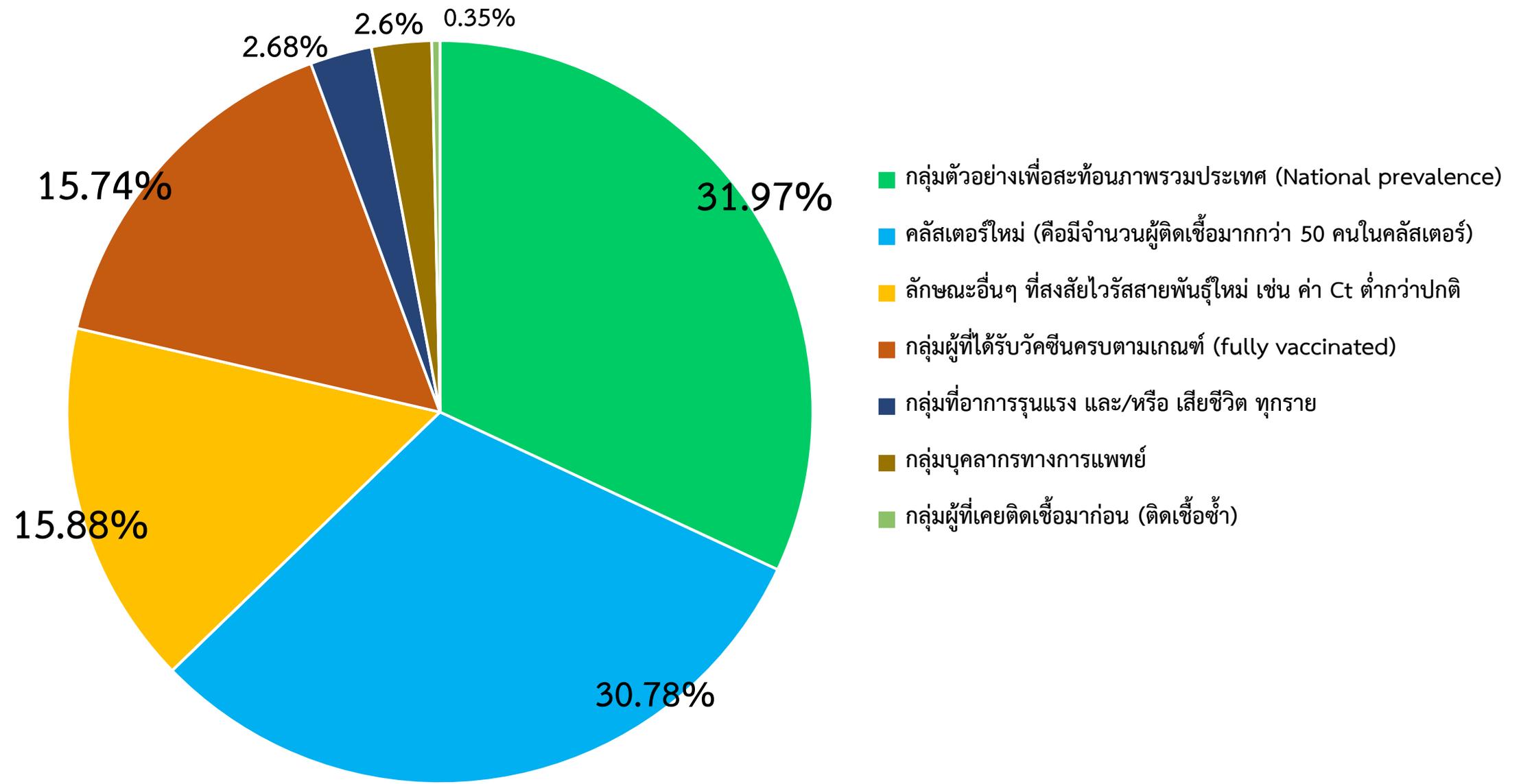
## กลุ่มอื่นๆ ในประเทศ



จำนวน 2274 ตัวอย่าง



# สัดส่วนของกลุ่มตัวอย่างผู้ติดเชื้อในประเทศ ที่สุ่มตรวจสายพันธุ์ :ระหว่างวันที่ 11-17 ม.ค.65





# สัดส่วนสายพันธุ์ที่เฝ้าระวังแบ่งตามกลุ่มย่อย ของกลุ่มภายในประเทศ

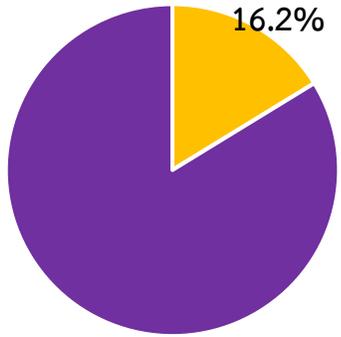
ระหว่างวันที่ 11-17 ม.ค. 65

กลุ่มตัวอย่าง	จำนวน ตัวอย่าง	สัดส่วนตัวอย่างที่ตรวจพบ สายพันธุ์ Omicron
กลุ่มตัวอย่างเพื่อสะท้อนภาพรวมประเทศ (National prevalence)	727	83.77%
คลัสเตอร์ใหม่ (คือมีจำนวนผู้ติดเชื้อมากกว่า 50 คนในคลัสเตอร์)	700	84.86%
กลุ่มที่อาการรุนแรง และ/หรือ เสียชีวิต ทุกราย	61	67.21%
กลุ่มผู้ที่ได้รับวัคซีนครบตามเกณฑ์ (fully vaccinated)	358	72.35%
กลุ่มบุคลากรทางการแพทย์	59	74.58%
ลักษณะอื่นๆ ที่สงสัยไวรัสสายพันธุ์ใหม่ เช่น ค่า Ct ต่ำกว่าปกติ	361	75.90%
กลุ่มผู้ที่เคยติดเชื้อมาก่อน (ติดเชื้อซ้ำ)	8	100.00%



# สัดส่วนสายพันธุ์ที่เฝ้าระวังแบ่งตามกลุ่มย่อย ของกลุ่มภายในประเทศ

ระหว่างวันที่ 11-17 ม.ค. 65

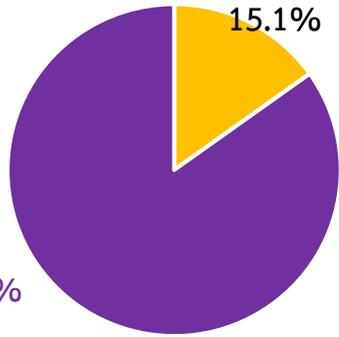


83.8%

16.2%

กลุ่มตัวอย่างเพื่อสะท้อนภาพรวมประเทศ  
(National prevalence)

n = 727

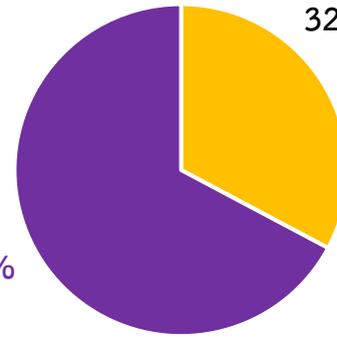


84.9%

15.1%

คลัสเตอร์ใหม่ (คือมีจำนวนผู้ติดเชื้อมากกว่า  
50 คนในคลัสเตอร์)

n = 700

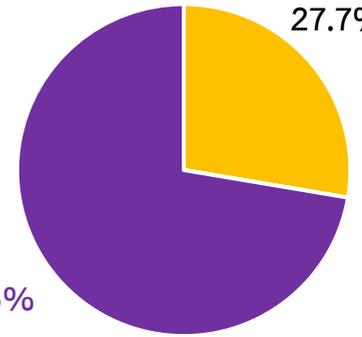


67.2%

32.8%

กลุ่มที่อาการรุนแรง และ/หรือ  
เสียชีวิต ทุกสาย

n = 61

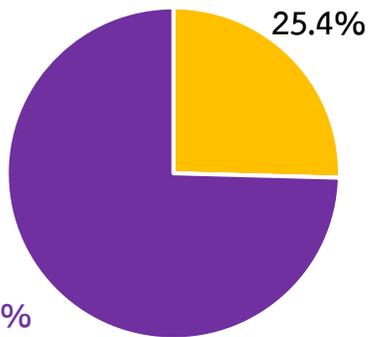


72.3%

27.7%

กลุ่มผู้ที่ได้รับวัคซีนครบตามเกณฑ์  
(fully vaccinated)

n = 358

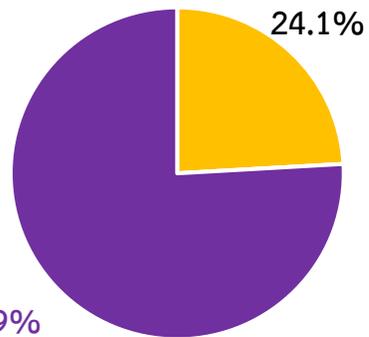


74.6%

25.4%

กลุ่มบุคลากรทางการแพทย์

n = 59

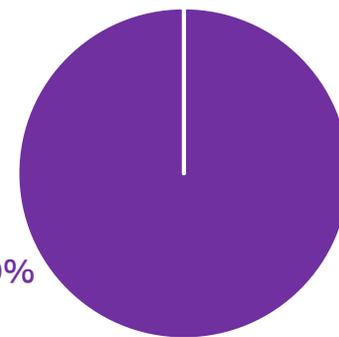


75.9%

24.1%

ลักษณะอื่นๆ ที่สงสัยไวรัสสายพันธุ์ใหม่ เช่น  
ค่า Ct ต่ำกว่าปกติ

n = 361



100.0%

กลุ่มผู้ที่เคยติดเชื้อมาก่อน (ติดเชื้อซ้ำ)

n = 8

■ B.1.1.7 (Alpha)

■ B.1.617.2 (Delta)

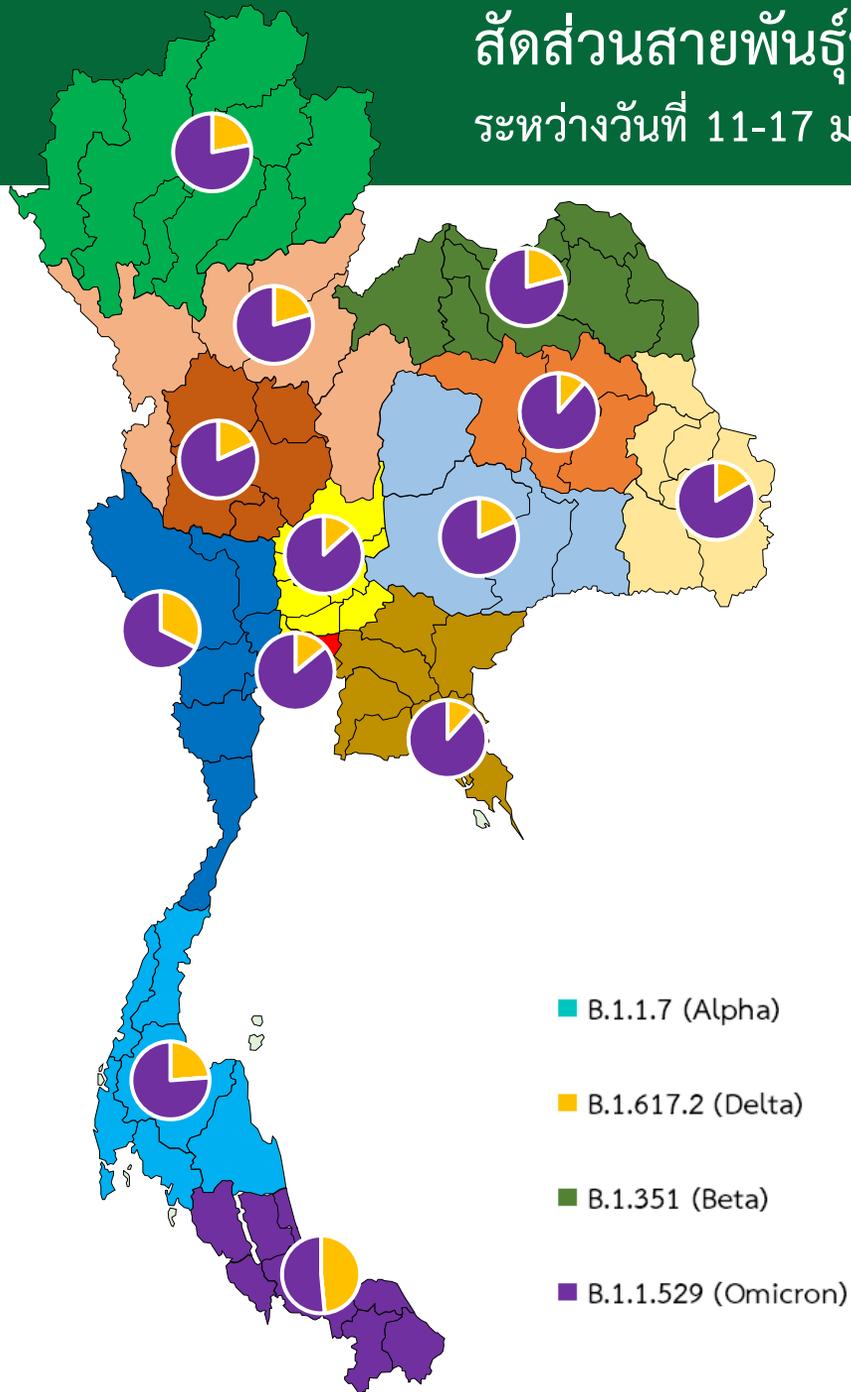
■ B.1.351 (Beta)

■ B.1.1.529 (Omicron)



# สัดส่วนสายพันธุ์ที่เฝ้าระวัง แยกตามเขตสุขภาพ : กลุ่มภายในประเทศ

ระหว่างวันที่ 11-17 ม.ค. 65



เขตสุขภาพ	สัดส่วนตัวอย่างที่ตรวจพบสายพันธุ์ Omicron
1	78.08%
2	79.41%
3	81.82%
4	86.75%
5	67.57%
6	88.27%
7	88.50%
8	79.18%
9	81.48%
10	83.33%
11	76.19%
12	51.46%
13	86.00%

# สรุป สถานการณ์การ फैาระวังสายพันธุ์ Omicron ระหว่างวันที่ 11-17 มกราคม 65

- 1) การแพร่ระบาดของสายพันธุ์ Omicron มีสัดส่วนเพิ่มขึ้นอย่างรวดเร็ว โดยพบในกลุ่มผู้เดินทางมาจากต่างประเทศเกือบทั้งหมด (96.9%) และการติดเชื้อในประเทศพบเป็นสายพันธุ์ Omicron 80.4%
- 2) กลุ่มที่มีอาการรุนแรงหรือเสียชีวิต ยังพบสัดส่วนของสายพันธุ์ Delta สูงกว่าค่าเฉลี่ยในกลุ่มทั่วไป
- 3) กลุ่มที่ได้วัคซีนครบ และกลุ่มบุคลากรทางการแพทย์ติดเชื้อสายพันธุ์ Omicron เป็นส่วนใหญ่แต่ยังพบการติดเชื้อสายพันธุ์ Delta อยู่บ้าง
- 4) กลุ่มที่ติดเชื้อซ้ำทุกรายเป็นสายพันธุ์ Omicron
- 5) คาดว่าปลายเดือน มกราคม การแพร่ระบาดในประเทศไทยจะเป็นสายพันธุ์ Omicron เกือบทั้งหมด

ขอบคุณครับ