



กรมวิทยาศาสตร์การแพทย์  
Department of Medical Sciences



กรมวิทยาศาสตร์การแพทย์  
DEPARTMENT OF MEDICAL SCIENCES

# ข้อมูลการจำแนกตามสายพันธุ์ที่เฝ้าระวัง และการกลายพันธุ์ของเชื้อ

โดย นายแพทย์ศุภกิจ ศิริลักษณ์  
อธิบดีกรมวิทยาศาสตร์การแพทย์

14 กันยายน 2565





# การจำแนกสายพันธุ์ที่เฝ้าระวัง

จำนวนผู้ติดเชื้อที่พบจำแนกตามสายพันธุ์สำคัญด้วยวิธี real-time RT-PCR (ราย)

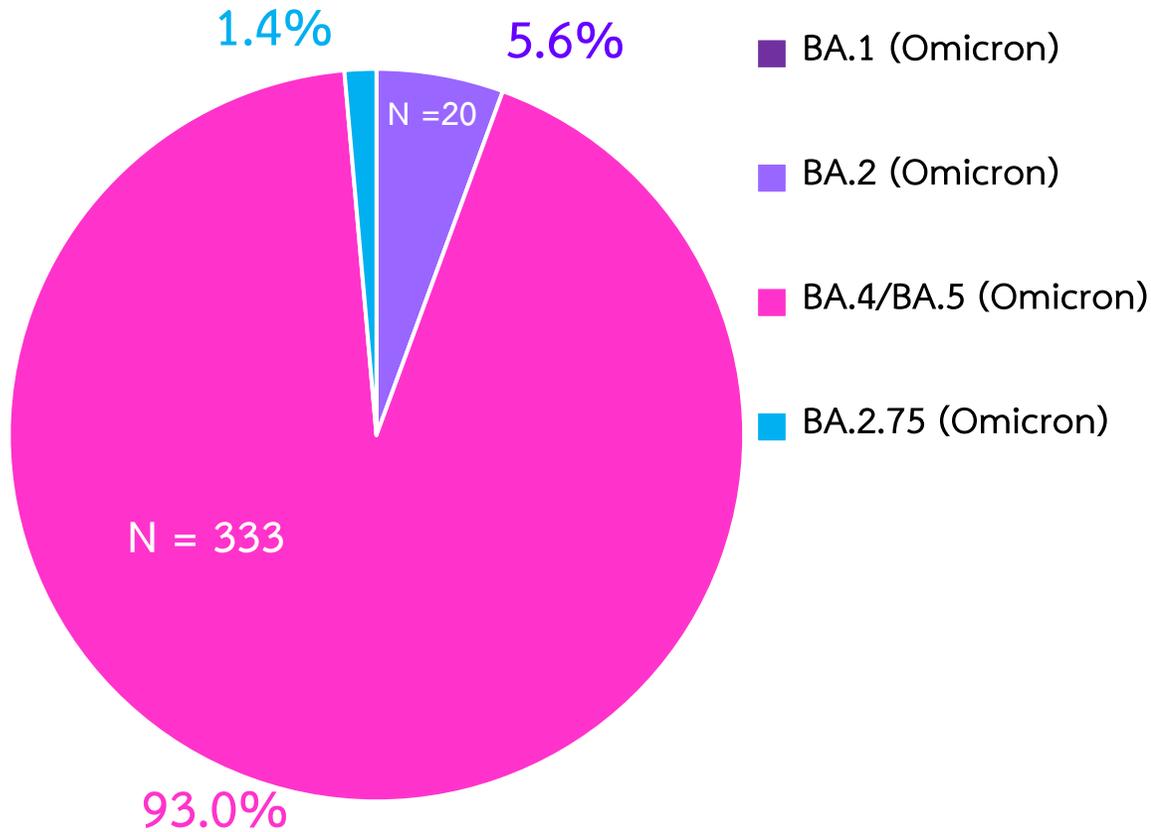
Health area	Potentially B.1.1.7 (Alpha)	Potentially B.1.617.2 (Delta)	Potentially B.1.351 (Beta)	Potentially BA.1 (Omicron)			Potentially BA.2 (Omicron)			Potentially BA.4/BA.5 (Omicron)			Potentially BA.2.75 (Omicron)			Potentially B.1.1.529 (Omicron)		
	30 เม.ย. 64 - 9 ก.ย. 65			5 ก.พ. - 2 ก.ย. 65	3 ก.ย. - 9 ก.ย. 65	Total	5 ก.พ. - 2 ก.ย. 65	3 ก.ย. - 9 ก.ย. 65	Total	14 พ.ค. - 2 ก.ย. 65	3 ก.ย. - 9 ก.ย. 65	Total	2 ก.ค. - 2 ก.ย. 65	3 ก.ย. - 9 ก.ย. 65	Total	1 พ.ย. 64 - 2 ก.ย. 65	3 ก.ย. - 9 ก.ย. 65	Total
	เขต 1	571	2438	0	422		422	1309	2	1311	360	39	399	0	2	2	715	1
เขต 2	600	1109	0	164		164	624	4	628	82	12	94	0	1	1	401		401
เขต 3	797	1028	0	64		64	217		217	26		26	0		0	116		116
เขต 4	644	1639	0	180		180	754		754	163	22	185	0		0	475		475
เขต 5	198	887	0	187		187	544		544	149	22	171	0		0	445		445
เขต 6	1942	7031	3	782		782	2287	6	2293	360	62	422	0		0	2658		2658
เขต 7	727	1771	0	642		642	1318		1318	165	28	193	0		0	1904		1904
เขต 8	586	2902	5	173		173	573	2	575	104	24	128	0		0	1311		1311
เขต 9	158	418	0	60		60	377		377	117	8	125	0		0	329		329
เขต 10	80	265	0	68		68	346		346	60	10	70	0		0	106		106
เขต 11	403	942	52	646		646	1310		1310	134	4	138	0		0	2413		2413
เขต 12	2943	4725	630	211		211	967		967	157	7	164	0		0	944		944
เขต 13 (กทม.)	4960	13649	4	1687		1687	8470	6	8476	2179	95	2274	3	2	5	6544		6544
รวม	14,609	38,804	694	5,286	0	5,286	19,096	20	19,116	4,056	333	4,389	3	5	8	18,361	1	18,362
	14.43%	38.32%	0.69%		0.00%	5.22%		5.57%	18.88%		92.76%	4.33%		1.39%	0.01%		0.28%	18.13%

หมายเหตุ : ข้อมูลของกรมวิทยาศาสตร์การแพทย์เฝ้าระวังตรวจกลายพันธุ์ตั้งแต่วันที่ 30 เม.ย. 64 - 9 ก.ย. 2565

# สัดส่วนสายพันธุ์ย่อย Omicron จาก SNP/Deletion : ระหว่างวันที่ 3 ก.ย. – 9 ก.ย. 65

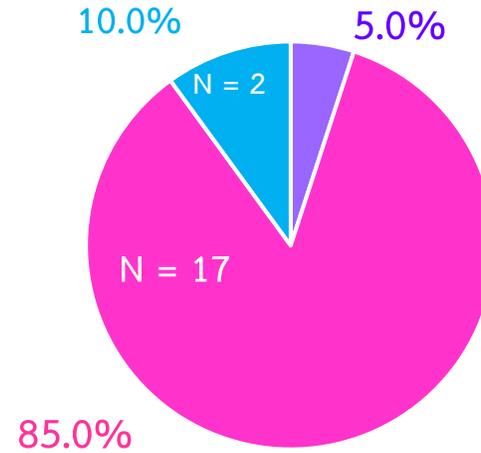
วัตถุประสงค์การตรวจ	Omicron lineage				
	SNP/Deletion (Potentially)				
	BA.2	BA.4/BA.5	BA.2.75	B.1.1.529	Total
กลุ่มผู้เดินทางเข้าราชอาณาจักร (SQ, AQ ,Sandbox, Test and Go)	1	17	2	0	20
กลุ่มอื่นๆ ภายในประเทศ	19	316	3	1	339
<b>รวมทั้งหมด</b>	<b>20</b>	<b>333</b>	<b>5</b>	<b>1</b>	<b>359</b>

# สัดส่วนสายพันธุ์ย่อย Omicron จาก SNP/Deletion : ระหว่างวันที่ 3 ก.ย. – 9 ก.ย. 65



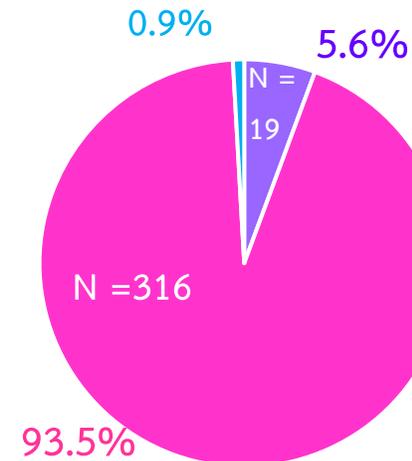
ตัวอย่าง Potentially Omicron ที่แยกสายพันธุ์ย่อยได้ จำนวน 358 ตัวอย่าง

## กลุ่มผู้เดินทางจากต่างประเทศ



จำนวน 20 ตัวอย่าง

## กลุ่มอื่นๆ ในประเทศ

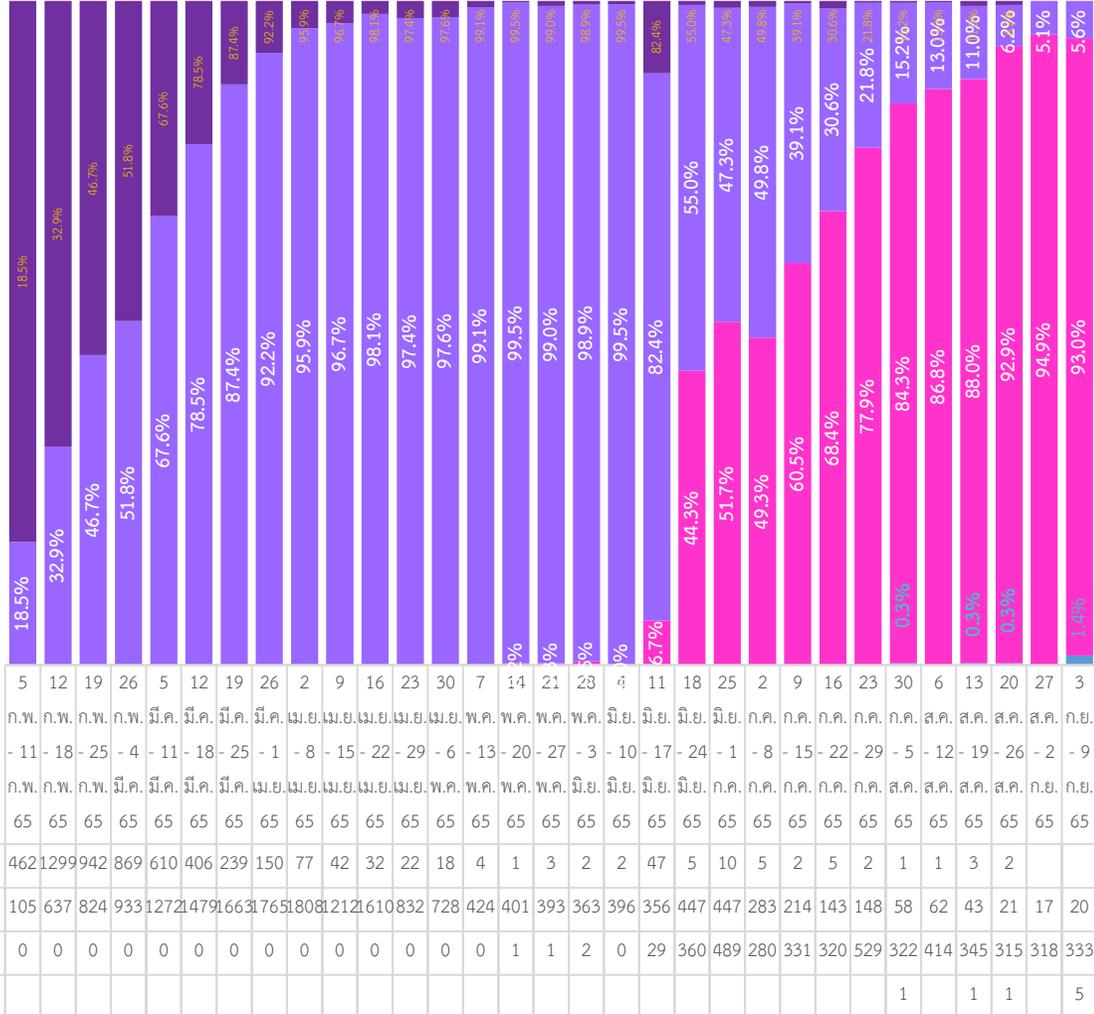


จำนวน 338 ตัวอย่าง

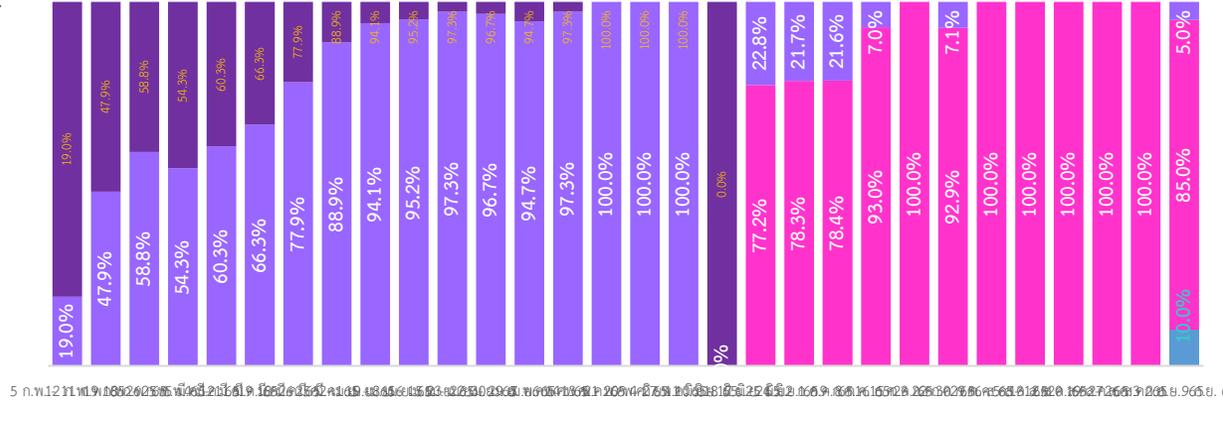
# สัดส่วนสายพันธุ์ย่อย Omicron จาก SNP/Deletion : ตั้งแต่ กุมภาพันธ์ 2565

## รวมทุกกลุ่ม

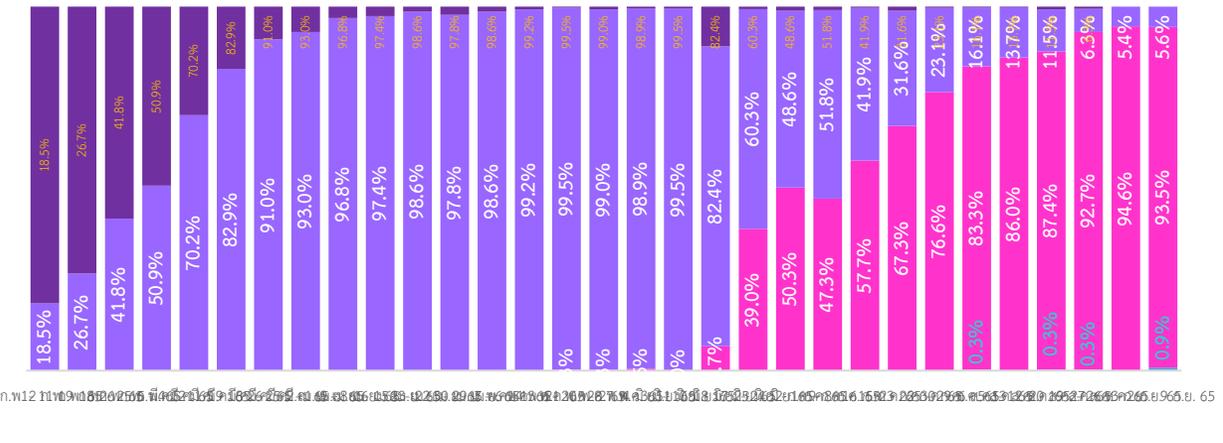
ร้อยละของจำนวนตัวอย่างทั้งหมดที่แยกได้ (%)



## กลุ่มผู้เดินทางจากต่างประเทศ



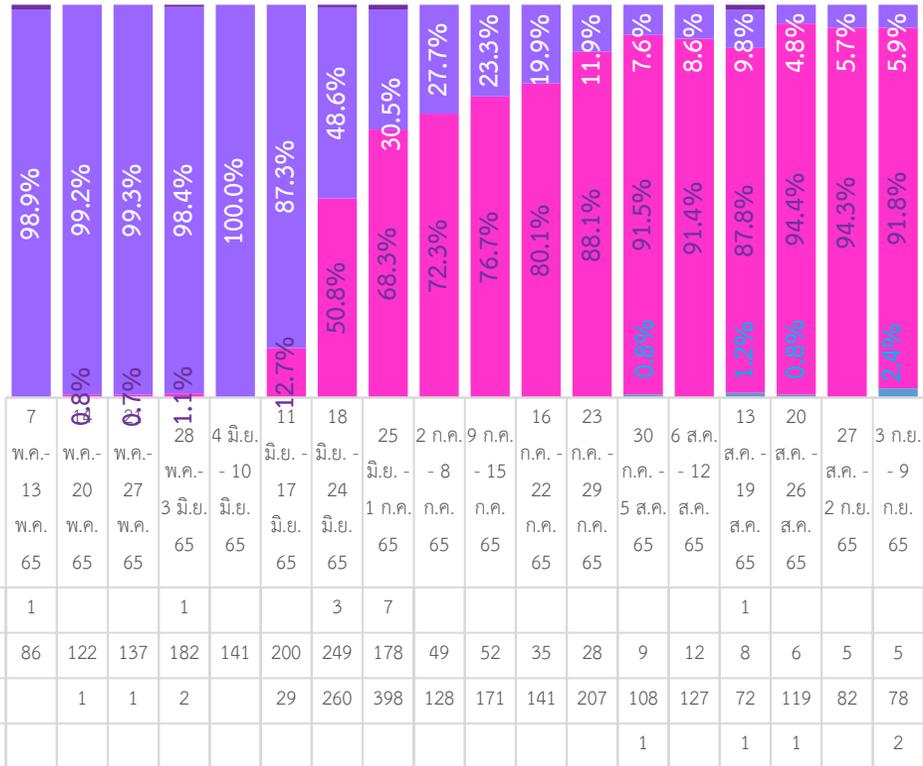
## กลุ่มอื่นๆ ในประเทศ



# สัดส่วนสายพันธุ์ย่อย Omicron จาก SNP/Deletion : แบ่งตามพื้นที่ของประเทศไทย ตั้งแต่ พฤษภาคม 2565 (เริ่มพบการระบาดของ สายพันธุ์ BA.4/BA.5)

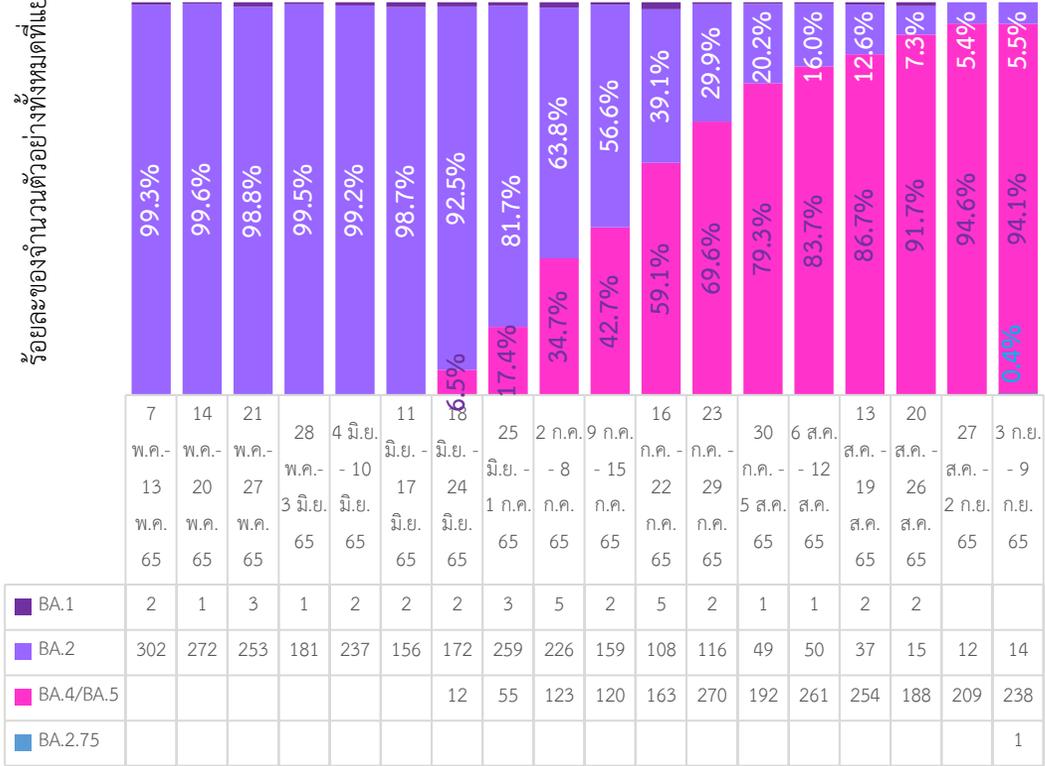
ร้อยละของจำนวนตัวอย่างทั้งหมดที่แยกได้ (%)

## กรุงเทพมหานคร



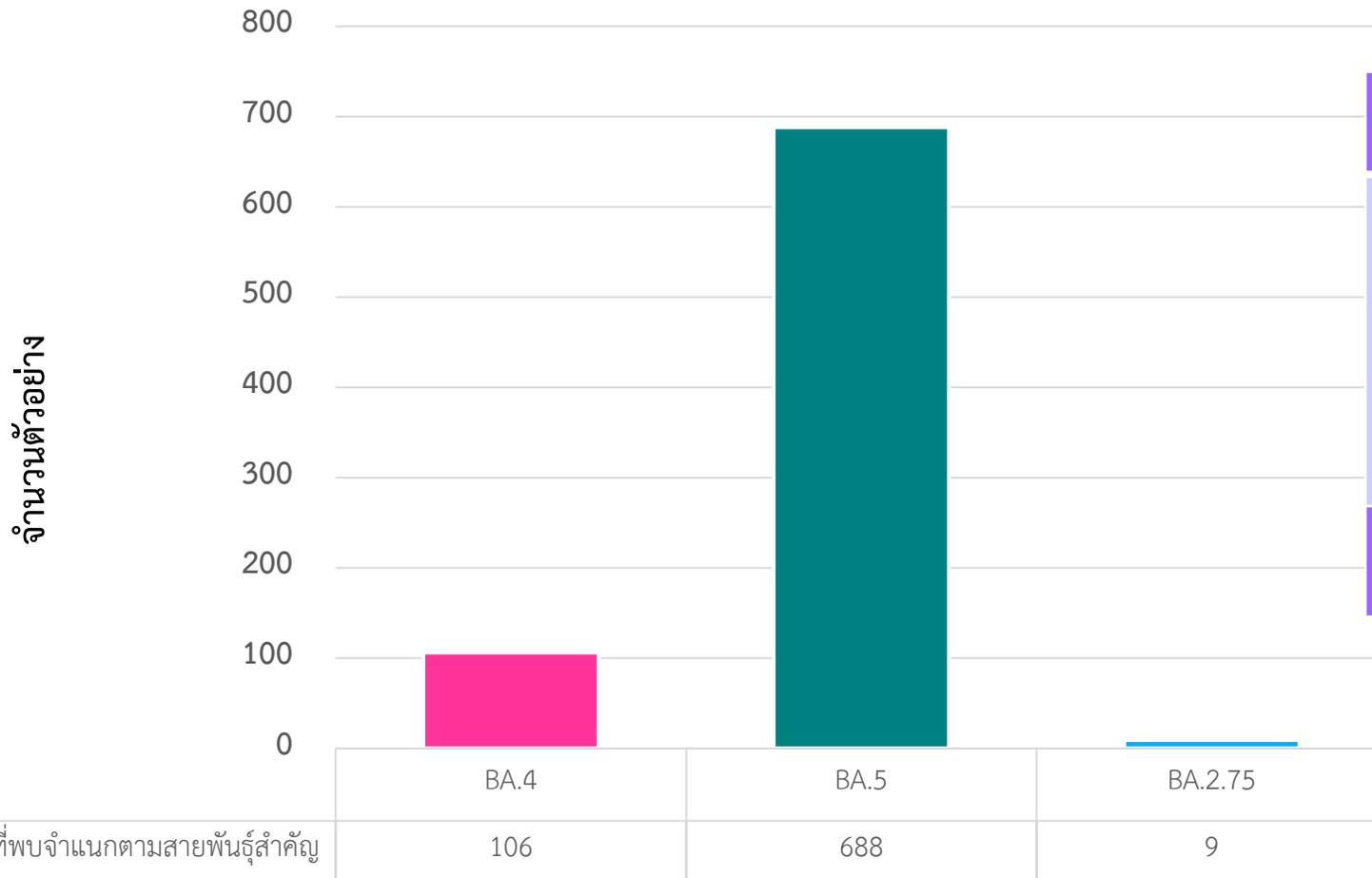
ร้อยละของจำนวนตัวอย่างทั้งหมดที่แยกได้ (%)

## ภูมิภาค





# สัดส่วนสายพันธุ์ย่อย Omicron ระหว่าง BA.4 BA.5 และ BA.2.75 ด้วย Whole genome sequencing: ตั้งแต่ พฤษภาคม 2565 (เริ่มพบการระบาดของ สายพันธุ์ BA.4/BA.5 ในประเทศ)



วิธีการตรวจ	ผล	จำนวน
WGS	BA.4	106
	BA.5	688
	BA.2.75	9
รวม		803



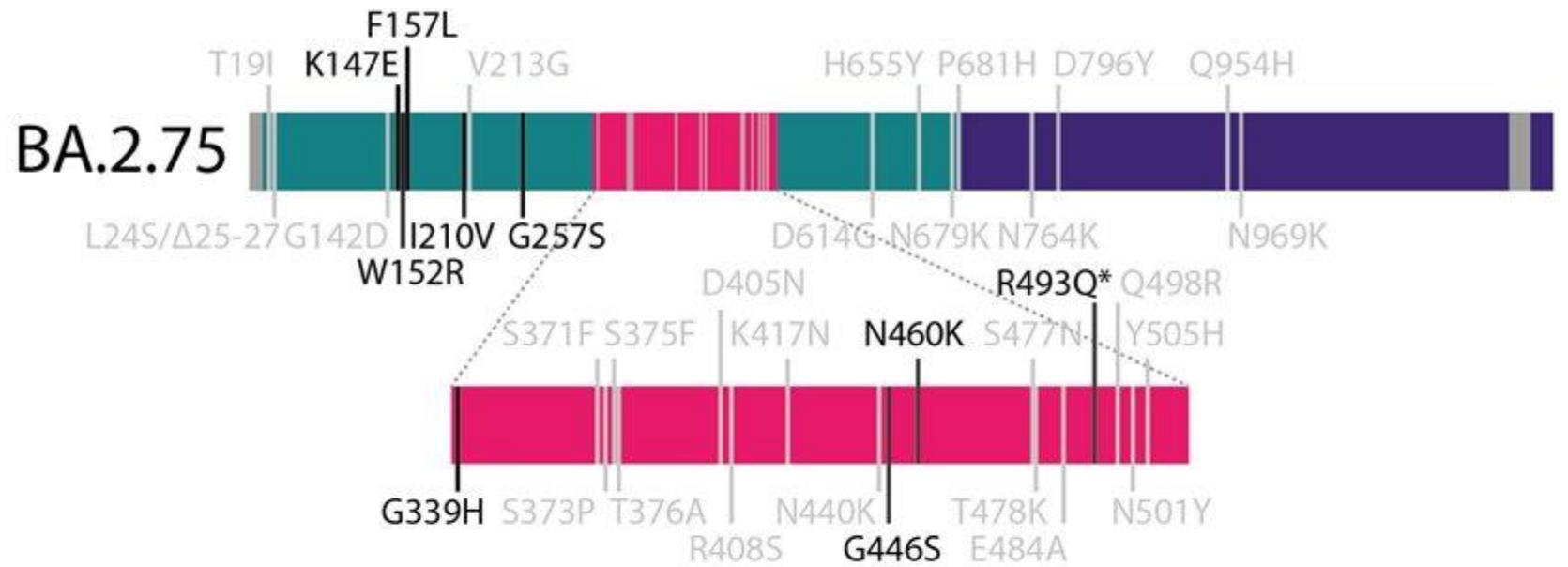
กรมวิทยาศาสตร์การแพทย์  
Department of Medical Sciences



กรมวิทยาศาสตร์การแพทย์  
DEPARTMENT OF MEDICAL SCIENCES

# ข้อมูลการเฝ้าระวังสายพันธุ์ BA.2.75 และ BA.2.75.x

ข้อมูล ณ วันที่ 13 กันยายน 2565

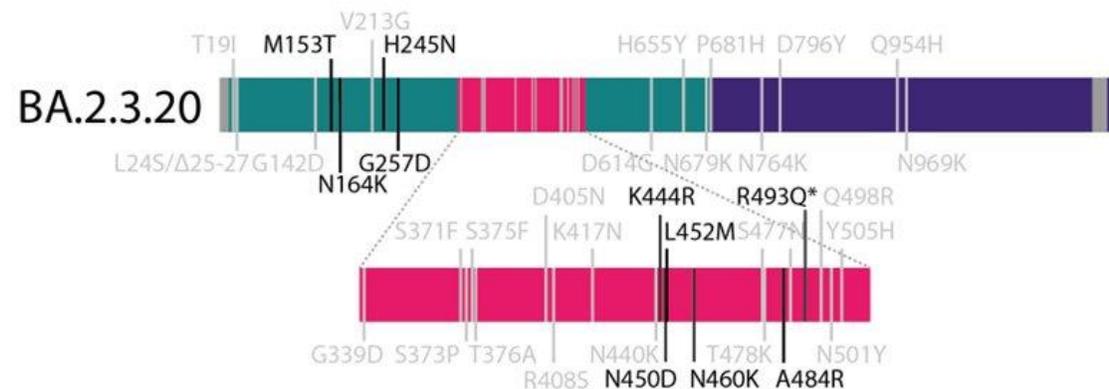
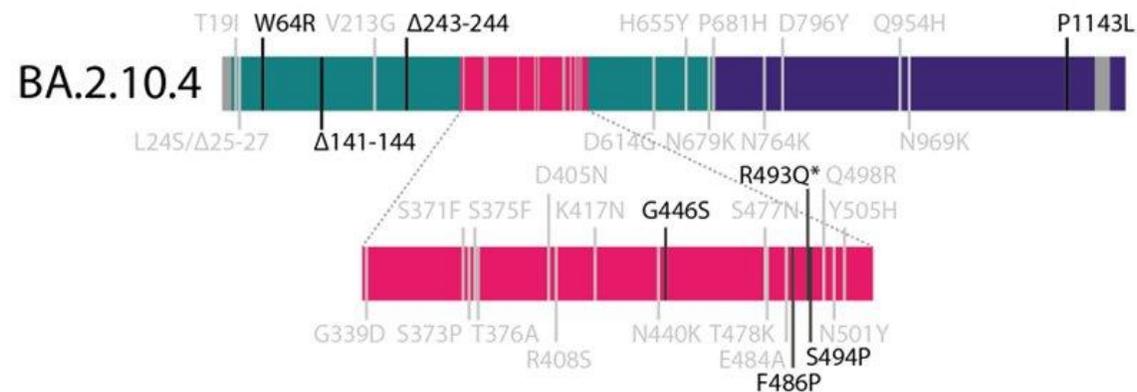
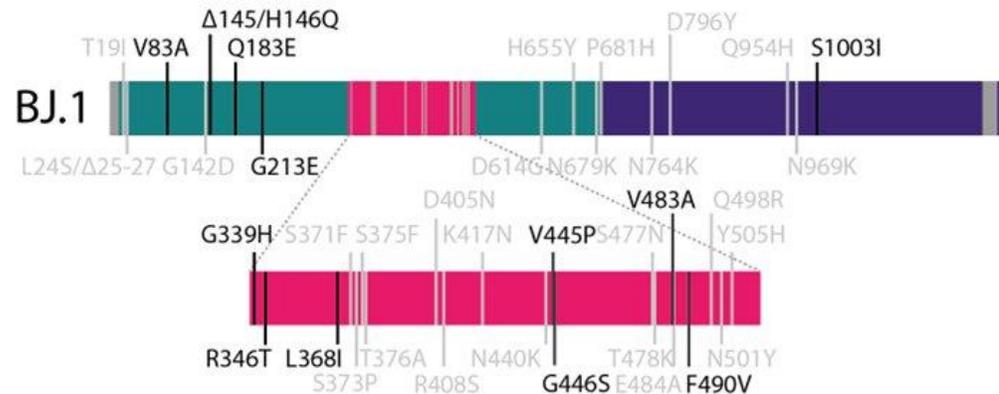


BA.2.75.2 is the most prevalent of these and contains several additional potent antigenic mutations on top of normal BA.2.75 (in black)

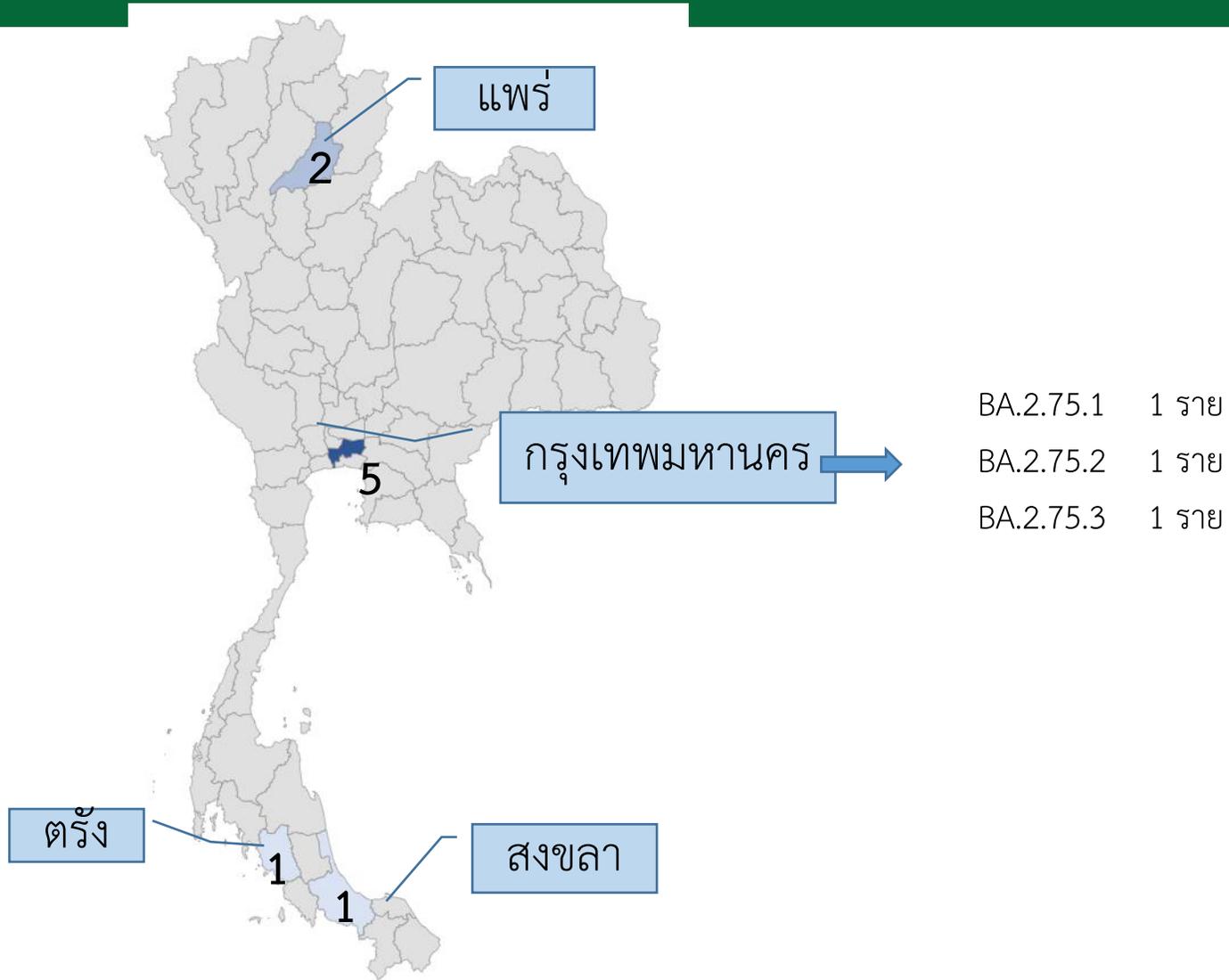
Monitor  
S:E1150  
Q

## BA.2.10.1

However, BA.2.75 isn't the only second-generation BA.2 out there - 3 more such lineages have been identified in the past month or two - all are at low numbers of sequences currently (<50) but have troubling combos of potent antigenic mutations (particularly BJ.1 and BA.2.3.20)



มีรายงานพบ BA.2.75  
จำนวนทั้งหมด 9 ตัวอย่าง



# Global Situation of BA.4, BA.5

Lineages	Prevalence	
	Previous week (15-21AUG)	This week (22-28AUG)
BA.5 + BA.5.X	84.8%	86.8% 
BA.4 + BA.4.X	6.8%	4.2% 
BA.2.X	2.6%	2.5% 
BA.2.75 + BA.2.75.X	0.9%	1.2% 

หลายประเทศพบว่า BA.2.75 มีแนวโน้มที่เพิ่มขึ้น



# BA.2.75 และ BA.2.75.x : แสดงตำแหน่งกลายพันธุ์

ข้อมูล ณ วันที่ 13 กันยายน 2565

Name ↑	Query	Number sequences	Submitted in past 10 days	Relative growth advantage	CI (low)	CI (high)	Description
★ <u>All lineages Baseline</u>	All lineages	330092	17652	Can't be calculated	...	...	Baseline
<u>B.1.1.7*</u>	B.1.1.7* (Nextclade)	1	0	-12.12%	-40.83%	16.59%	Alpha
<u>B.1.617.2*</u>	B.1.617.2* (Nextclade)	165	1	-14.77%	-17.13%	-12.40%	Delta
<u>BA.1*</u>	BA.1* (Nextclade)	16495	5	-34.27%	-34.69%	-33.85%	
★ <u>BA.2</u>	BA.2 (Nextclade)	51707	366	-13.09%	-13.23%	-12.95%	
★ <u>BA.2.10.4</u>	BA.2.10.4* (Nextclade)	33	7	23.79%	13.11%	34.48%	9 spike changes (Gisaid: Spike_F486P, N
<u>BA.2.12.1*</u>	BA.2.12.1* (Nextclade)	6788	116	2.15%	1.78%	2.52%	S:452R+S:704L
<u>BA.2.12.2*</u>	BA.2.12.2* (Nextclade)	194	19	11.27%	8.37%	14.17%	S:R357K
★ <u>BA.2.3.20*</u>	BA.2* (Nextclade) + ORF1b:T1404M, S:M153T, S:N164K	3	0	285.85%	-93.73%	665.43%	10 S1 Mutations : Spike: M153T, N164K, N450D, L452M, N460K, E484R, R493Q (NSP2_T547I, NSP3_I896T))
<u>BA.2.3*</u>	BA.2.3* (Nextclade)	46577	252	-10.55%	-10.69%	-10.41%	
<u>BA.2.3*</u>	BA.2.3* (Nextclade)	46577	252	-10.55%	-10.69%	-10.41%	
<u>BA.2.37*</u>	BA.2.37* (Nextclade)	116	0	-12.33%	-15.00%	-9.65%	
<u>BA.2.38</u>	BA.2.38 (Nextclade)	4719	130	0.10%	-0.32%	0.53%	S:417T
★ <u>BA.2.38.1</u>	BA.2.38.1* (Nextclade)	865	77	12.60%	11.16%	14.04%	247N+ 248S
<u>BA.2.38.2*</u>	BA.2.38.2* (Nextclade)	492	5	12.45%	10.55%	14.35%	S:157S
<u>BA.2.40.1*</u>	BA.2.40.1* (Nextclade)	1025	22	-0.35%	-1.25%	0.55%	
<u>BA.2.56*</u>	BA.2.56*	739	45	-0.22%	-1.28%	0.84%	
<u>BA.2.74*</u>	BA.2.74* (Nextclade)	1323	47	6.42%	5.47%	7.36%	S:346T+452M
★ <u>BA.2.75.1*</u>	BA.2.75.1* (Nextclade)	1339	314	36.48%	34.14%	38.81%	S:574V
★ <u>BA.2.75.2*</u>	BA.2.75.2* (Nextclade)	185	75	114.17%	96.74%	131.59%	S:346T,486S,1199N
★ <u>BA.2.75.3*</u>	BA.2.75.3* (Nextclade)	971	165	24.84%	22.81%	26.88%	orf1b:V1706I
★ <u>BA.2.75.4*</u>	BA.2.75.4* (Nextclade)	30	8	44.76%	26.49%	63.03%	S:452R
★ <u>BA.2.75.5*</u>	BA.2.75.5* (Nextclade)	137	37	66.23%	54.34%	78.12%	S:356T
★ <u>BA.2.75.6</u>	BA.2.75.6* (Nextclade)	99	23	33.87%	25.81%	41.92%	S:R346T
★ <u>BA.2.75.7</u>	BA.2.75.7* (Nextclade)	34	10	76.78%	49.52%	104.04%	S:F486S
★ <u>BA.2.75*</u>	BA.2.75* (Nextclade)	5303	924	26.80%	25.87%	27.73%	8 spike changes
<u>BA.2.76.1</u>	BA.2.76.1* (Nextclade)	82	7	15.30%	10.17%	20.44%	S:357K
<u>BA.2.76.1</u>	BA.2.76.1* (Nextclade)	82	7	15.30%	10.17%	20.44%	S:R357K
★ <u>BA.2.76*</u>	BA.2.76* (Nextclade)	4277	387	9.23%	8.65%	9.81%	346T+248N
<u>BA.2.77*</u>	BA.2.77* (Nextclade)	1	0	17.69%	-32.79%	68.18%	Heavily mutated spike



# สถานการณ์ BA.2.75



<https://www.epicov.org/epi3/frontend#12dbbe>

Registered Users | EpiFlu™ | **EpiCoV™** | EpiPox™ | My profile

EpiCoV™ | Search | Downloads | Upload

Search ▼ Reset filters

EPI\_ISL ID  Virus name  EPI\_SET ID   Complete ⓘ  
 Location  Host   High coverage ⓘ  
 Collection  to  Submission  to   Low coverage excluded ⓘ  
 Clade  Lineage  Substitutions ⓘ  Variant   With patient status ⓘ  
 Collection date complete ⓘ  
 Under investigation

<input type="checkbox"/>	Virus name	Passage de	Accession ID	Collection da	Submission C	Length	Host	Location	Originating
<input type="checkbox"/>	hCoV-19/India/AS-NEIST-INSACOG-R37-C	Original	EPI_ISL_14937544	2022-07-25	2022-09-13	29,303	Human	Asia / India / Ass	AGNH, Jor
<input type="checkbox"/>	hCoV-19/India/AS-NEIST-INSACOG-R37-C	Original	EPI_ISL_14937541	2022-07-21	2022-09-13	29,303	Human	Asia / India / Ass	SMCH, Sil
<input type="checkbox"/>	hCoV-19/India/AS-NEIST-INSACOG-R37-C	Original	EPI_ISL_14937535	2022-07-24	2022-09-13	29,303	Human	Asia / India / Ass	JCMC, Jor
<input type="checkbox"/>	hCoV-19/India/AS-NEIST-INSACOG-R37-C	Original	EPI_ISL_14937530	2022-07-22	2022-09-13	29,303	Human	Asia / India / Ass	IDSP, Kam
<input type="checkbox"/>	hCoV-19/India/AS-NEIST-INSACOG-R37-C	Original	EPI_ISL_14937528	2022-07-21	2022-09-13	29,303	Human	Asia / India / Ass	IDSP, Kam
<input type="checkbox"/>	hCoV-19/India/AS-NEIST-INSACOG-R37-C	Original	EPI_ISL_14937522	2022-07-18	2022-09-13	29,303	Human	Asia / India / Ass	IDSP, Kam
<input type="checkbox"/>	hCoV-19/India/AS-NEIST-INSACOG-R37-C	Original	EPI_ISL_14937521	2022-07-18	2022-09-13	29,303	Human	Asia / India / Ass	IDSP, Kam
<input type="checkbox"/>	hCoV-19/India/AS-NEIST-INSACOG-R37-C	Original	EPI_ISL_14937519	2022-07-18	2022-09-13	29,303	Human	Asia / India / Ass	IDSP, Kam
<input type="checkbox"/>	hCoV-19/India/AS-NEIST-INSACOG-R37-C	Original	EPI_ISL_14937509	2022-07-14	2022-09-13	29,303	Human	Asia / India / Ass	IDSP, Kam
<input type="checkbox"/>	hCoV-19/India/AS-NEIST-INSACOG-R37-C	Original	EPI_ISL_14937497	2022-07-13	2022-09-13	29,303	Human	Asia / India / Ass	IDSP, Kam
<input type="checkbox"/>	hCoV-19/India/AS-NEIST-INSACOG-R37-C	Original	EPI_ISL_14937483	2022-07-12	2022-09-13	29,303	Human	Asia / India / Ass	IDSP, Kam
<input type="checkbox"/>	hCoV-19/India/AS-NEIST-INSACOG-R37-C	Original	EPI_ISL_14937482	2022-07-12	2022-09-13	29,303	Human	Asia / India / Ass	IDSP, Kam
<input type="checkbox"/>	hCoV-19/Belgium/UZA-UA-CV8482082952	Original	EPI_ISL_14937052	2022-09-05	2022-09-13	29,724	Human	Europe / Belgium	Platform B
<input type="checkbox"/>	hCoV-19/Belgium/UZA-UA-CV8161632237	Original	EPI_ISL_14937014	2022-09-06	2022-09-13	29,724	Human	Europe / Belgium	Platform B
<input type="checkbox"/>	hCoV-19/Denmark/DCGC-577410/2022	Original	EPI_ISL_14935879	2022-09-03	2022-09-13	29,780	Human	Europe / Denmar	Departmer
<input type="checkbox"/>	hCoV-19/Denmark/DCGC-577050/2022	Original	EPI_ISL_14935477	2022-08-24	2022-09-13	29,755	Human	Europe / Denmar	Departmer
<input type="checkbox"/>	hCoV-19/Denmark/DCGC-576945/2022	Original	EPI_ISL_14935260	2022-09-06	2022-09-13	29,701	Human	Europe / Denmar	Departmer
<input type="checkbox"/>	hCoV-19/Estonia/RC0713372/2022	Original	EPI_ISL_14934786	2022-08-22	2022-09-13	29,609	Human	Europe / Estonia	SYNLAB E
<input type="checkbox"/>	hCoV-19/Estonia/20565302/2022	Original	EPI_ISL_14934026	2022-08-14	2022-09-13	29,603	Human	Europe / Estonia	SYNLAB E
<input type="checkbox"/>	hCoV-19/Scotland/LSPA-3F87713/2022	Original	EPI_ISL_14933878	2022-08-29	2022-09-13	29,724	Human	Europe / United	Rosalind F
<input type="checkbox"/>	hCoV-19/England/QEUH-3F87F0C/2022	Original	EPI_ISL_14933775	2022-08-28	2022-09-13	29,430	Human	Europe / United	Lighthouse

Total: 6,811 viruses

<< < 1 2 3 4 5 > >>

EPI\_SET Select Analysis Download

- ฐานข้อมูล GISAID : พบรายงานจากทั่วโลกมีข้อมูลสายพันธุ์ BA.2.75 จำนวน 6,811 ตัวอย่าง
- เป็นข้อมูลจากประเทศไทย 9 ตัวอย่าง
- ปัจจุบัน GISAID ยังไม่มีการจัดกลุ่มย่อย BA.2.75.x

gisaid\_hcov-19\_2022\_09\_13\_15

Accession ID	Collection date	Submission date	Location
EPI_ISL_13884499	2022-06-28	2022-07-18	Asia / Thailand / Trang
EPI_ISL_14158509	2022-07-07	2022-07-31	Asia / Thailand / Phrae
EPI_ISL_14479189	2022-06-28	2022-08-16	Asia / Thailand / Songkhla
EPI_ISL_14667493	2022-07-29	2022-08-26	Asia / Thailand / Bangkok
EPI_ISL_14723916	2022-07-15	2022-08-30	Asia / Thailand / Bangkok
EPI_ISL_14810400	2022-07-13	2022-09-05	Asia / Thailand / Phrae
EPI_ISL_14810437	2022-08-11	2022-09-05	Asia / Thailand / Bangkok
EPI_ISL_14931889	2022-08	2022-09-13	Asia / Thailand / Bangkok
EPI_ISL_14931927	2022-08	2022-09-13	Asia / Thailand / Bangkok

ข้อมูล ณ วันที่ 13 กันยายน 2565

# สถานการณ์ BA.2.75.x ของประเทศไทย

ID	Sequence name	QC	Clade	Pango lineage (Nextclade)	Unaliased	Mut.
0	hCoV-19/Thailand/NIC_TRG_21271/2022	N M P C F S	22D (Omicron)	BA.2.75	BA.2.75	19
1	hCoV-19/Thailand/NIC_PRE_21887/2022	N M P C F S	22D (Omicron)	BA.2.75	BA.2.75	22
2	hCoV-19/Thailand/NIC_SKA_22220/2022	N M P C F S	22D (Omicron)	BA.2.75	BA.2.75	19
3	hCoV-19/Thailand/DMSc-12213/2022	N M P C F S	22D (Omicron)	BA.2.75	BA.2.75	22
4	hCoV-19/Thailand/NIC_BKK_21555/2022	N M P C F S	22D (Omicron)	BA.2.75	BA.2.75	21
5	hCoV-19/Thailand/NIC_PRE_22387/2022	N M P C F S	22D (Omicron)	BA.2.75	BA.2.75	22
6	hCoV-19/Thailand/NIC_BKK_22592/2022	N M P C F S	22D (Omicron)	BA.2.75.2	BA.2.75.2	25
7	hCoV-19/Thailand/NIC_BKK_22875/2022	N M P C F S	22D (Omicron)	BA.2.75.1	BA.2.75.1	26
8	hCoV-19/Thailand/NIC_BKK_22677/2022	N M P C F S	22D (Omicron)	BA.2.75.3	BA.2.75.3	22

Variants		
BA.2.75	9	6
BA.2.75.1	0	1
BA.2.75.2	0	1
BA.2.75.3	0	1

ข้อมูล ณ วันที่ 13 กันยายน 2565



# Omicron BA.2.75 (รายที่ 6 )

- เพศชาย อายุ 82 ปี
- วันที่เก็บตัวอย่าง : 13 ก.ค. 2565
- อาการ: ไข้

Virus detail	
Virus name:	hCoV-19/Thailand/NIC_PRE_22387/2022
Accession ID:	EPI_ISL_14810400
Type:	betacoronavirus
Clade:	GRA
Pango Lineage:	BA.2.75 (marker override based on Emerging Variants AA substitutions)
AA Substitutions:	Spike A27S, Spike D405N, Spike D614G, Spike D796Y, Spike E484A, Spike F157L, Spike G142D, Spike G257S, Spike G339H, Spike G446S, Spike H655Y, Spike I210V, Spike K147E, Spike K417N, Spike L24del, Spike N440K, Spike N460K, Spike N501Y, Spike N679K, Spike N764K, Spike N969K, Spike P25del, Spike P26del, Spike P681H, Spike Q498R, Spike Q954H, Spike R408S, Spike S371F, Spike S373P, Spike S375F, Spike S477N, Spike T19I, Spike T376A, Spike T478K, Spike V213G, Spike W152R, Spike Y505H, E T9I, E T11A, M A63T, M Q19E, N A211S, N E31del, N G30del, N G204R, N P13L, N R32del, N R203K, N S33C, N S413R, NS3 T223I, NSP1 S135R, NSP3 G489S, NSP3 P822S, NSP3 S403L, NSP3 T24I, NSP4 L264F, NSP4 L438F, NSP4 T327I, NSP4 T492I, NSP5 P132H, NSP6 F108del, NSP6 G107del, NSP6 S106del, NSP8 N118S, NSP12 G671S, NSP12 P323L, NSP13 R392C, NSP14 I42V, NSP15 T112I
Variant:	VOC Omicron GRA (B.1.1.529+BA.*) first detected in Botswana/Hong Kong/South Africa
Passage details/history:	Original
Sample information	
Collection date:	2022-07-13
Location:	Asia / Thailand / Phrae
Host:	Human
Additional location information:	
Gender:	Male
Patient age:	82
Patient status:	unknown
Specimen source:	Tracheal secretion
Additional host information:	
Sampling strategy:	
Outbreak:	
Last vaccinated:	
Treatment:	
Sequencing technology:	Illumina MiSeq
Assembly method:	DRAGEN COVID Lineage V.3.5.9
Coverage:	

[Back](#)

[Contact Submitter](#)

[Metadata](#)

[FASTA](#)

ข้อมูล ณ วันที่ 13 กันยายน 2565



# Omicron BA.2.75.1 (รายที่ 7)

- เพศ ชาย อายุ 48 ปี
- วันที่เก็บตัวอย่าง : 26 สิงหาคม 2565
- อาการ: ไอแห้ง เจ็บคอ และมีไข้ 1 วัน ก่อนมาโรงพยาบาล

Virus detail	
<b>Virus name:</b>	hCoV-19/Thailand/NIC_BKK_22875/2022
<b>Accession ID:</b>	EPI_ISL_14931889
<b>Type:</b>	betacoronavirus
<b>Clade:</b>	GRA
<b>Pango Lineage:</b>	BA.2.75 (marker override based on Emerging Variants AA substitutions)
<b>AA Substitutions:</b>	Spike A27S, Spike D405N, Spike D574V, Spike D614G, Spike D796Y, Spike E484A, Spike F157L, Spike G257S, Spike G339H, Spike G446S, Spike H655Y, Spike I210V, Spike K147E, Spike L24del, Spike N440K, Spike N460K, Spike N501Y, Spike N679K, Spike N764K, Spike N969K, Spike P25del, Spike P26del, Spike P681H, Spike Q498R, Spike Q954H, Spike R408S, Spike S371F, Spike S373P, Spike S375F, Spike S477N, Spike T19I, Spike T376A, Spike T478K, Spike V213G, Spike W152R, Spike Y505H, E T9I, E T11A, MA63T, M Q19E, N E31del, N G204R, N P13L, N R32del, N R203K, N S33del, N S413R, NS3 T223I, NSP1 S135R, NSP3 G489S, NSP3 P822S, NSP3 S403L, NSP3 T24I, NSP4 L264F, NSP4 L438F, NSP4 T327I, NSP4 T492I, NSP5 P132H, NSP6 A56V, NSP6 F108del, NSP6 G107del, NSP6 S106del, NSP8 N118S, NSP12 G671S, NSP12 P323L, NSP13 R392C, NSP14 I42V, NSP15 T112I
<b>Variant:</b>	VOC Omicron GRA (B.1.1.529+BA.*) first detected in Botswana/Hong Kong/South Africa
<b>Passage details/history:</b>	Original
Sample information	
<b>Collection date:</b>	2022-08
<b>Location:</b>	Asia / Thailand / Bangkok
<b>Host:</b>	Human
<b>Additional location information:</b>	
<b>Gender:</b>	Male
<b>Patient age:</b>	unknown
<b>Patient status:</b>	unknown
<b>Specimen source:</b>	Nasal and throat swab
<b>Additional host information:</b>	Foreigner
<b>Sampling strategy:</b>	
<b>Outbreak:</b>	
<b>Last vaccinated:</b>	
<b>Treatment:</b>	
<b>Sequencing technology:</b>	Illumina MiSeq
<b>Assembly method:</b>	DRAGEN COVID Lineage V.3.5.11
<b>Coverage:</b>	

ชายชาวต่างชาติ



Back



Contact Submitter



Metadata



FASTA

ข้อมูล ณ วันที่ 13 กันยายน 2565

# Omicron BA.2.75.2 (รายชื่อ 8)

- เพศชาย อายุ 73 ปี,
- วันที่เก็บตัวอย่าง : 11 สิงหาคม 2565
- อาการ: ไอมีเสมหะ มีไข้ 39 องศา ถ่ายเหลว

## Virus detail

<b>Virus name:</b>	hCoV-19/Thailand/NIC_BKK_22592/2022
<b>Accession ID:</b>	EPI_ISL_14810437
<b>Type:</b>	betacoronavirus
<b>Clade:</b>	GRA
<b>Pango Lineage:</b>	BA.2.75 (marker override based on Emerging Variants AA substitutions)
<b>AA Substitutions:</b>	Spike A27S, Spike D405N, Spike D796Y, Spike D1084E, Spike D1199N, Spike E484A, Spike F157L, Spike F486S, Spike G142D, Spike G257S, Spike G339H, Spike G446S, Spike I210V, Spike K147E, Spike K417N, Spike L24del, Spike N440K, Spike N460K, Spike N501Y, Spike N679K, Spike N764K, Spike N969K, Spike P25del, Spike P26del, Spike P681H, Spike Q498R, Spike Q954H, Spike R346T, Spike S371F, Spike S373P, Spike S375F, Spike S477N, Spike T19I, Spike T376A, Spike T478K, Spike V213G, Spike W152R, Spike Y505H, E T9I, E T11A, M A63T, M Q19E, N E31del, N G204R, N P13L, N R32del, N R203K, N S33del, N S413R, NS3 T223I, NSP1 S135R, NSP3 G489S, NSP3 P822S, NSP3 S403L, NSP3 T24I, NSP4 L264F, NSP4 L438F, NSP4 T327I, NSP4 T492I, NSP5 P132H, NSP6 F108del, NSP6 G107del, NSP6 S106del, NSP8 N118S, NSP12 G671S, NSP12 P323L, NSP13 R392C
<b>Variant:</b>	VOC Omicron GRA (B.1.1.529+BA.*) first detected in Botswana/Hong Kong/South Africa
<b>Passage details/history:</b>	Original

## Sample information

<b>Collection date:</b>	2022-08-11
<b>Location:</b>	Asia / Thailand / Bangkok
<b>Host:</b>	Human
<b>Additional location information:</b>	
<b>Gender:</b>	Male
<b>Patient age:</b>	unknown
<b>Patient status:</b>	unknown
<b>Specimen source:</b>	Nasopharyngeal swab
<b>Additional host information:</b>	
<b>Sampling strategy:</b>	
<b>Outbreak:</b>	
<b>Last vaccinated:</b>	
<b>Treatment:</b>	
<b>Sequencing technology:</b>	Illumina MiSeq
<b>Assembly method:</b>	DRAGEN COVID Lineage V.3.5.9
<b>Coverage:</b>	

ชายไทย

# Omicron BA.2.75.3 (รายที่ 9)

- เพศชาย
- วันที่เก็บตัวอย่าง : สิงหาคม 2565
- อาการ: มีไข้ 2 วัน เจ็บคอ ไอแห้งๆนานๆครั้ง

Virus detail	
<b>Virus name:</b>	hCoV-19/Thailand/NIC_BKK_22677/2022
<b>Accession ID:</b>	EPI_ISL_14931927
<b>Type:</b>	betacoronavirus
<b>Clade:</b>	GRA
<b>Pango Lineage:</b>	BA.2.75 (Pango v.4.1.2 PUSHER-v1.12), Omicron (Unassigned) (Scorpio)
<b>AA Substitutions:</b>	Spike A27S, Spike D405N, Spike D796Y, Spike E484A, Spike F157L, Spike G142D, Spike G339H, Spike I210V, Spike K147E, Spike L24del, Spike N501Y, Spike N679K, Spike N764K, Spike N969K, Spike P25del, Spike P26del, Spike P681H, Spike Q498R, Spike Q954H, Spike S371F, Spike S373P, Spike S375F, Spike S477N, Spike T19I, Spike T376A, Spike T478K, Spike V213G, Spike W152R, Spike Y505H, E T9I, E T11A, M A63T, M Q19E, N E31del, N G204R, N R32del, N R203K, N S33del, N S413R, NS3 A59G, NS3 T223I, NSP1 S135R, NSP3 P822S, NSP3 S403L, NSP3 T24I, NSP4 L264F, NSP4 L438F, NSP4 T327I, NSP4 T492I, NSP5 P132H, NSP6 F108del, NSP6 G107del, NSP6 S106del, NSP8 N118S, NSP12 G671S, NSP12 P323L, NSP14 V182I
<b>Variant:</b>	VOC Omicron GRA (B.1.1.529+BA.*) first detected in Botswana/Hong Kong/South Africa
<b>Passage details/history:</b>	Original
Sample information	
<b>Collection date:</b>	2022-08
<b>Location:</b>	Asia / Thailand / Bangkok
<b>Host:</b>	Human
<b>Additional location information:</b>	
<b>Gender:</b>	unknown
<b>Patient age:</b>	unknown
<b>Patient status:</b>	unknown
<b>Specimen source:</b>	Nasopharyngeal swab
<b>Additional host information:</b>	
<b>Sampling strategy:</b>	
<b>Outbreak:</b>	
<b>Last vaccinated:</b>	
<b>Treatment:</b>	
<b>Sequencing technology:</b>	Illumina MiSeq
<b>Assembly method:</b>	DRAGEN COVID Lineage V.3.5.9
<b>Coverage:</b>	
<b>Comment:</b>	⚠ Long stretches of NNNs (26.39% of overall sequence). Gap of 53 nucleotides when compared to the reference

ชายชาวต่างชาติ

1. กรมวิทยาศาสตร์การแพทย์ ได้ร่วมมือกับเครือข่ายการตรวจสายพันธุ์ทั่วโลก ทำการเฝ้าระวังการกลายพันธุ์ และส่งรายงานในระบบ GISAID อย่างสม่ำเสมอ และจับตาดูสายพันธุ์ที่อาจมีปัญหาอย่างใกล้ชิด
2. ประเทศไทยยังพบสายพันธุ์ BA.5 เป็นหลักโดยมีสัดส่วน 85% BA.4 สัดส่วน 13% และ BA.2.75 รวมถึงสายพันธุ์ย่อยเพียง 1% ซึ่งก็สอดคล้องกับสถานการณ์การรายงานของโลก
3. ประชาชนไม่ควรตื่นตระหนกจากข้อมูลเพียงบางส่วนในสื่อโซเชียล ซึ่งอาจก่อให้เกิดความสับสน
4. มาตรการที่ประเทศไทยแนะนำให้ฉีดวัคซีนเข็มกระตุ้นและ Universal Prevention ยังคงเพียงพอในการรับมือกับการแพร่ระบาดในปัจจุบัน

ขอบคุณครับ



กรมวิทยาศาสตร์การแพทย์  
DEPARTMENT OF MEDICAL SCIENCES